

FIGURE 60

CGGACGCGTGGGCGGACGCGTGGGGCGGCGGAGCGGCGGACGCGGACATGGAGAGCGGG
GCCTACGGCGCGGCCAAGGCGGGCGGCTCCTTCGACCTGCGGCGCTTCTTGACGCAGCCGCA
GGTGGTGGCGCGCGCGGTGTGCTTGGTCTTCGCCCTTGATCGTGTTCCTCGCATCTATGGTG
AGGGCTACAGCAATGCCACGAGTCTAAGCAGATGTACTGCGTGTTC AACCGCAACGAGGAT
GCCTGCCGTATGGCAGTGCCATCGGGGTGCTGGCCTTCCTGGCCTCGGCCCTCTCTTGGT
GGTCGACGCGTATTTCCCCAGATCAGCAACGCCACTGACCGCAAGTACCTGGTCATTGGTG
ACCTGCTCTTCTCAGCTCTCTGGACCTTCTGTGGTTTGTGTGGTTTCTGCTTCCTCACC AAC
CAGTGGGCAGTCACCAACCCGAAGGACGTGCTGGTGGGGGCCGACTCTGTGAGGGGAGCCAT
CACCTTCAGCTTCTTTTCCATCTTCTCCTGGGGTGTGCTGGCCTCCCTGGCCTACCAGCGCT
ACAAGGCTGGCGTGGACGACTTCATCCAGAATTACGTTGACCCCACTCCGGACCCCAACT
GCCTACGCCCTCTACCCAGGTGCATCTGTGGACAACACCAACAGCCACCCCTTCACCCAGAA
CGCGGAGACCACCGAGGGCTACCAGCCGCCCCCTGTGTACTGAGTGGCGGTTAGCGTGGGAA
GGGGGACAGAGAGGGCCCTCCCTCTGCCCTGGACTTTCATCAGCCTCCTGGAAC TGCCA
GCCCTCTCTTTCACCTGTTCCATCCTGTGCAGCTGACACACAGCTAAGGAGCCTCATAGCC
TGGCGGGGCTGGCAGAGCCACACCCCAAGTGCTGTGCCAGAGGGCTTCAGTCAGCCGCT
CACTCCTCCAGGGCACTTTTAGGAAAGGGTTTTTAGCTAGTGTTTTTCTCGCTTTTAATGA
CCTCAGCCCCGCTGCAGTGGCTAGAAGCCAGCAGGTGCCCATGTGCTACTGACAAGTGCCCT
CAGCTTCCCCCGGCCCGGGTCAGGCCGTGGGAGCCGCTATTATCTGCGTTCTCTGCCAAG
ACTCGTGGGGGCCATCACACCTGCCCTGTGCAGCGGAGCCGACCAGGCTCTGTGTCTCTCA
CTCAGGTTTGCTTCCCTGTGCCCACTGCTGTATGATCTGGGGGCCACCACCTGTGCCGGT
GGCCTCTGGGCTGCCTCCCGTGGTGTGAGGGCGGGGCTGGTGCTCATGGCACTTCTCTCTTG
CTCCACCCCTGGCAGCAGGGAAGGGCTTTGCCCTGACAACACCAGCTTTATGTAAATATTC
TGCAGTTGTACTTAGGAAGCCTGGGGAGGGCAGGGGTGCCCCATGGCTCCAGACTCTGTG
TGTGCCGAGTGTATTATAAAATCGTGGGGGAGATGCCCGGCTGGGATGCTGTTTGAGAGC
GAATAAATGTTTTCTCATTCAAAG

09078295.101501

1000

<subunit 1 of 1, 224 aa, 1 stop

MESGAYGAAGAGGSFDLRRFLTQPQVVARAVCLVFALIVFSCIYEGEGYSNAHESKQMYCVFN
RNEDACRYGSAIGVLAFLASAFFLVVDAYFPQISNATDRKYLIVIGDLLFSALWTLFLWVFGFC
FLTNTQWAVTNPDKDLVGADSVRAAITFSFFSIFSWGVLASLAYQRYKAGVDDFIQNYVDPTP
DPNTAYASYPGASVDNYQQPPFTQNAETTEGYOPPPVY

Type II Transmembrane domain:

Other transmembrane domains:

amino acids 74-90, 108-126 and 145-161

N-glycosylation site.

amino acids 97-100

FIGURE 62

GAGCCACCTACCCCTGCTCCGAGGCCAGGCCCTGCAGGGCCTCATCGGCCAGAGGGTGATCAGTGAGCAGAAGGATG
 CCCGTGGCCGAGGCCCCCCAGGTTGGCTGGCGGGCAGGGGGACGGAGGTGATGGCGAGGAAGCCGAGCCAGAGGGG
 ATGTTTCAAGGCTCTGTAGGACTCCAGAGAAAAGCCCGGGCTACCTCCGCTGGTGGCCCTGTGTTGTGCTGTG
 GCCCTGCTCGTGTGGCTTCGGCGGGGTGCTACTCTGGTATTTCCTAGGGTACAAGGCCGAGGTGATGTCAGC
 CAGGTGTACTACGGCAGTCTGCGTGTACTCAATCGCCACTTCTCCAGGATCTTACCCCGCGGGAATCTAGTGCC
 TTCCGACGTGAACCGCACAAGCCAGAAGATGCTCAAGGAGCTCATCACCAGCACCCCGCTGGGAATCTACTAC
 AACTCCAGCTCCGCTATTCTTCTTTGGGAGGGACCCCTCACCTGCTTCTTCTGTTTCAATCTCCAAATCCCAGG
 CACCGCCGCTGATGCTGAGCCCGAGGTGGTGACGGCACTGCTGGTGGAGGAGCTGCTGTCCACAGTCAACAGC
 TCGCTGCCGTCCCTCAAGGGCCGAGTACGAAGTGGACCCCGAGGGCCCTAGGTGATCTGGAAAGCCAGTGTGAAA
 GACATAGCTGCATTGAATTCACGCTGGGTGTGTACCGCTACAGCTACGTGGGCGAGGCCAGGTCTCTCCGGCTG
 AAGGGGCTCAGCACCTGGCTCCAGCTGCTGTGGCACTGACGGGCCCCAGGACCTCATGCTCAAACTCCCGG
 CTGGAGTGGACGCTGGCAGAGTGC CGGGACCGACTGGCCATGTATGACGTGGCGGGCCCCCTGGAGAAGAGGCTC
 ATCACCTCGGTGACGCTGCAGCCCGCAGGAGCCGCTGGTGGAGGTTCTGGGCTCGGGGGCCATCATGGCGGT
 GTCTGGAGAAGGGCCCTGCA CAGCTACTACGACCCCTTCGTGCTCTCCGTGACGCGGTGGTCTTCCAGGCTGT
 GAAGTGAACCTGACGCTGGACAACAGGCTCGACTCCAGGGCGTCTCAGCACCCTGACTTCTCCAGCTACTAC
 TCGCCCCAAACCACTGCTCTGGCACCTCACGGTGCCCTCTGGGACTACGGCTTGGCCCTCTGTTTGTATGCC
 TATGCACTGAGGAGCAGAAGTATGATTGCGGTGCACCCAGGGCCAGTGAGGATCCAGAA CAGGAGGCTGTGT
 GGCCTGGCATCTCTGACGCCCTACGCCGAGAGGATCCCCGTGGTGGCCACGGCCGGGATCACCTCAACTTCAAC
 TCCAGATCTCCCCACCGGGCCCCGTGTGCGGGTGCACTATGGCTTGTACAAACCATCGGACCCCTGCCCTGGA
 GAGTTCCTCTGTGTTGTGAATGGACTCTGTGTCCCCTGCTGTGTAGGGGTCAAGGACTGCCCAAGGGCTGGAT
 GAGAGAAAGTGGTGTGCAAGCACTTCCAGTGCAAGAGGACAGCACTGCTATCCAGCCCAAGGTCTGT
 GTATGGGCACCTGATTGTCTCAACGGCAGGATGAAGAGCAGTGCCAGGAAGGGTGGCCATGTGGGACATTCAAC
 TTTCAGTGTGAGGACCGGAGCTGCGTGAAGAAGCCCAACCCGAGTGTGATGGGCGGGCCAGCTGCAGGACAGCG
 TCGATGAGGAGCACTGTGACTGTGGCTCCAGGGCCCCCTCCAGCCGCAATTGTTGTGTGGAAGTGTGTCTCCGAG
 GGTGAGTGGCCATGGCCGCAAGCTCCAGGTTCCGGGTGCAGACATCTGTGGGGGGGCCCTCATGCTGACCGCG
 TGGTGTGATAACAGCTGCCCACTGCTTCCAGGAGGACAGCATGGCTCTGACAGCTCAGCCACCCGCTGTGGCTCGGCCCGCTGGC
 AAGGTGTGGCAGAACTCGCGCTGGCTGGGAGAGGTGTCTTCAAGGTGAGCCGCTGTCTCTGCACCCCGTACCCG
 CCGTCTGCTGCTGCCCGCGCTCCCACTTCTTCAGGCCCGGCTGCACTGCTGGATTACGGGCTGGGGCGCTTG
 CGCGAGGGGGCCCCATCAGCAACGCTCTGCAGAAAGTGGATGTGCAGTGTATCCACAGGACCTGTGACAGCGAG
 GCCTATCGCTACCAAGTGACGCCACGCACTGCTGTGTCGGCTACCGCAAGGGCAAGAAGGATGCTGTCAAGGT
 GACTCAGGTGGTCCGCTGGTGTGCAAGGCCTCAGTGCCGCTGGTTCCTGGCGGGGCTGGTCACTGGGGCCCTG
 GGCTGTGGCGGCTCACTACTTCGCGCTCTACCCGCACTCAGAGTGTGATCAGCTGGATCCAGCAAGTGGT
 ACC**TGA**AGAACTGCCCCCCTGCAAGCAGGGGCCACTCTCTGGACTCAGAGAGCCAGGGCAACTGCCAAGCAGG
 GGGACAAGTATTCTGGCGGGGGGTGGGGGAGAGAGCAGGCCCTGTGGTGGCAGGAGGTGGCATCTGTCTCTGCTCC
 CTGATGTCTGCTCCAGTGATGGCAGGAGGATGGAGAAGTGCCAGCAGCTGGGGGTCAAGACGCTCCCTGAGGACC
 CAGGCCCAACCCAGCCCTTCTGCTCCCAATCTCTCTCTCCGCTCCCTTCTCCACTGCTGCTTAATGCAAG
 GCAGTGGCTCAGCAGCAAGAAATGCTGGTTCTACATCCGAGGAGTGTCTGAGGTGGCGCCCACTCTGTACAGAGG
 CTGTTTGGGCAGCCTTGCTCTCAGAGAGCAGATTCCAGCTTCGGGAAGCCCTGGTCTACTTGGGATCTGGGAAT
 GAAAGGTGCTCCCATCGGAGGGGACCTCAGAGCCCTGGAGACTGCCAGGTGGGCTGTCTGCCATCTGTGCAAGCAA
 AAGTGGGGAAGTCTGCACTCAGGGTCCCTTGCCCCACCCCTGCTGCCACTGGGCCCCACAGGCCAGCCCT
 CACTGGGAGGTGAGCTCAGCTGCCCTTTGGAATAAAGCTGCTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

09978295.101501